

Wykaz osiągnięć naukowych albo artystycznych, stanowiących znaczny wkład w rozwój określonej dyscypliny

Informacje zawarte w poszczególnych punktach tego dokumentu powinny uwzględniać podział na okres przed uzyskaniem stopnia doktora oraz pomiędzy uzyskaniem stopnia doktora a uzyskaniem stopnia doktora habilitowanego.

I. INFORMACJA O OSIĄGNIĘCIACH NAUKOWYCH ALBO ARTYSTYCZNYCH, O KTÓRYCH MOWA W ART. 219 UST. 1. PKT 2 USTAWY

1. Monografia naukowa, zgodnie z art. 219 ust. 1. pkt 2a Ustawy; lub
2. Cykl powiązanych tematycznie artykułów naukowych, zgodnie z art. 219 ust. 1. pkt 2b Ustawy; lub

Cykl powiązanych tematycznie artykułów naukowych pod wspólnym tytułem:

"Poznanie nowych elementów sygnalizacji etylenowej i ABA, stanowiących efekt strukturalnej i funkcjonalnej dywergencji genów u roślin z rodzaju *Brassica*"

- (1). **Babula D.**, Misztal L.H., Jakubowicz M., Kaczmarek M., Nowak W., Sadowski J. (2006). Genes involved in biosynthesis and signalisation of ethylene in *Brassica oleracea* and *Arabidopsis thaliana*: identification and genome comparative mapping of specific gene homologues. *Theor. Appl. Genet.* 112: 410-420. (IF₂₀₀₆=2,715, liczba punktów MNISW: 40)
 - (2). Ludwików A., **Babula-Skowrońska D.**, Szczepaniak M., Belter N., Dominiak E., Sadowski J. (2013). Expression profiles and genomic organisation of group A protein phosphatase 2C genes in *Brassica oleracea*. *Ann. Appl. Biol.* 163: 124-134. (IF₂₀₁₃=1,955, liczba punktów MNISW: 40)
 - (3). **Babula-Skowrońska D.**, Ludwików A., Cieśla A., Olejnik A., Cegielska-Taras T., Bartkowiak-Broda I., Sadowski J. (2015). Involvement of genes encoding ABI1 protein phosphatases in the response of *Brassica napus* L. to drought stress. *Plant Mol. Biol.* 88: 445-457. (IF₂₀₁₅=3,905, liczba punktów MNISW: 40)
 - (4). **Babula-Skowrońska D.** (2021). Functional divergence of *Brassica napus* *BnaABI1* paralogs in the structurally conserved PP2CA gene subfamily of Brassicaceae. *Genomics* 113: 3185-3197 (IF₂₀₂₀=5,736, liczba punktów MNISW: 100)
3. Wykaz zrealizowanych oryginalnych osiągnięć projektowych, konstrukcyjnych, technologicznych lub artystycznych, zgodnie z art. 219 ust. 1. pkt 2c Ustawy.

W przypadku prac dwu- lub wieloautorских zaleca się złożenie oświadczenia przez habilitanta oraz współautorów wskazujące na ich merytoryczny (a NIE procentowy) wkład w powstanie każdej pracy [np. twórca hipotezy badawczej, pomysłodawca badań, wykonanie specyficznych badań (np. przeprowadzenie konkretnych doświadczeń, opracowanie i zebranie ankiet, itp.), wykonanie analizy wyników, przygotowanie manuskryptu artykułu, i inne]. Określenie wkładu danego autora, w tym habilitanta, powinno być na tyle precyzyjne, aby umożliwić dokładną ocenę jego udziału i roli w powstaniu każdej pracy.

II. INFORMACJA O AKTYWNOŚCI NAUKOWEJ ALBO ARTYSTYCZNEJ

1. Wykaz opublikowanych monografii naukowych (z zaznaczeniem pozycji niewymienionych w pkt I.1).
2. Wykaz opublikowanych rozdziałów w monografiach naukowych.

Przed uzyskaniem stopnia doktora

1. **Babula D.**, Kaczmarek M., Ziółkowski P.A. and Sadowski J. (1999). Application of chromosomal map and gene probes of *Arabidopsis* in studies on *Brassica* genomes. NATO Science series, Series A: Life Sciences, Geza Hrazdina (Ed.), 319: 70-75

Po uzyskaniu stopnia doktora

1. **Babula D.**, Jakubowicz M., Ludwików A., Stańko A., Sadowski J. (2003). Genetic and bioinformatic analysis of genes involved in *A. thaliana* and *B. oleracea* response to abiotic stresses. International Proceedings Division, XII International Congress on Genes, Gene Families and Isozymes, str. 165-170.
2. Kaczmarek M., **Babula D.**, Sadowski J. (2003). Extensive colinearity of the *Arabidopsis thaliana* and *Brassica oleracea* genomes. International Proceedings Division, XII International Congress on Genes, Gene Families, and Isozymes, str. 223-228.
3. Kaczmarek M., **Babula D.**, Sadowski J. (2004). Application of the *Arabidopsis thaliana* sequence data in understanding the *Brassica* genome. In: J. Sadowski (Ed.) Understanding the Plant Genome, str. 122-133.
4. **Babula D.**, Kaczmarek M., Ziółkowski P.A., Sadowski J. (2007). *Brassica* In: Kole C (Ed.) Genome Mapping & Molecular Breeding. Vol. 5: Vegetables. Springer, Heidelberg, Berlin, New York, Tokyo 5: 227-285.
5. **Babula-Skowrońska D.**, Cieśla A., Sadowski J. (2011). Molecular linkage maps: strategies, resources and achievements. In: Sadowski J. (Ed.) Genetics, Genomics and Breeding of Vegetable Brassica, Science Publishers, Enfield, New Hampshire; 4: 125-196.
6. Ziolkowski P.A., Kaczmarek M., **Babula-Skowrońska D.**, Sadowski J. (2011). *Brassica* genome evolution: dynamics and plasticity. In: Edwards D., Batley J., Parkin I., Kole C (Eds.) Genetics, Genomics and Breeding of Oilseed Brassicas, Science Publishers, Inc., Jersey, British Isles, New Hampshire; 2: 17-46.
7. Żyła N., Fidler J., **Babula-Skowrońska D.** (2021) Economic and Academic Importance of *Brassica oleracea*. In: Liu S., Snowdon R., Kole C. (eds) The *Brassica oleracea* Genome. Compendium of Plant Genomes. Springer, Cham., str. 1-6. (liczba punktów MNISW=80)
8. Fidler J., Żyła N., **Babula-Skowrońska D.** (2021) Impact of the Brassica oleracea Genome on Breeding and Crop Improvement. In: Liu S., Snowdon R., Kole C. (eds) The *Brassica oleracea* Genome. Compendium of Plant Genomes. Springer, str. 107-133 (liczba punktów MNISW=80)

3. Informacja o członkostwie w redakcjach naukowych monografii.

Po uzyskaniu stopnia doktora

1. Sadowski J. (red.) (2004). Understanding the plant genome. Seria PAGEN, tom 3. Institute of Plant Genetics PAS, Poznan, Poland, 214 s., asystent techniczny
4. Wykaz opublikowanych artykułów w czasopismach naukowych (z zaznaczeniem pozycji niewymienionych w pkt I.2).

Przed uzyskaniem stopnia doktora

1. **Babula D.**, Kaczmarek M., Delseny M., Quiros C.F., Sadowski J. (2000). Construction of a genetic map for *Brassica oleracea* based on ESTs from the *Arabidopsis thaliana* genome. Acta Hort. 539: 95-99.
2. Sadowski J., Quiros C.F., **Babula D.**, Kaczmarek M., Ziółkowski P.A. (2000). Mapowanie podstawowych genomów w rodzaju *Brassica*. Rośliny Oleiste Tom XXI, 21-32. (liczba punktów MNiSW=4).
3. **Babula D.**, Kaczmarek M., Ziółkowski P., Sadowski J. (2001). Genetyczne i fizyczne podstawy organizacji chromosomów u wybranych gatunków z rodziny *Brassicaceae*. Rośliny Oleiste Tom XXII, 315-326. (liczba punktów MNiSW=4).

Po uzyskaniu stopnia doktora

A. Pozycje wymienione w pkt. I.2.

1. **Babula D.**, Misztal L.H., Jakubowicz M., Kaczmarek M., Nowak W., Sadowski J. (2006). Genes involved in biosynthesis and signalisation of ethylene in *Brassica oleracea* and *Arabidopsis thaliana*: identification and genome comparative mapping of specific gene homologues. Theor. Appl. Genet. 112: 410-420. (IF₂₀₀₆=2,715, liczba punktów MNiSW=40)
2. Ludwików A., **Babula-Skowrońska D.**, Szczepaniak M., Belter N., Dominiak E., Sadowski J. (2013). Expression profiles and genomic organisation of group A protein phosphatase 2C genes in *Brassica oleracea*. Ann. Appl. Biol. 163: 124-134. (IF₂₀₁₃=1,955; liczba punktów MNiSW=40)
3. **Babula-Skowrońska D.**, Ludwików A., Cieśla A., Olejnik A., Cegielska-Taras T., Bartkowiak-Broda I., Sadowski J. (2015). Involvement of genes encoding ABI1

protein phosphatases in the response of *Brassica napus* L. to drought stress. *Plant Mol. Biol.* 88: 445-457. (IF₂₀₁₅= 3,905; liczba punktów MNiSW=40)

4. **Babula-Skowrońska D.** (2021). Functional divergence of *Brassica napus* *BnaAB11* paralogs in the structurally conserved *PP2CA* gene subfamily of Brassicaceae. *Genomics* 113: 3185-3197. (IF₂₀₂₀=5,736, liczba punktów MNiSW: 100)
- 1 Pozycje nie wymienione w pkt. I.2.
1. **Babula D.**, Kaczmarek M., Barakat A., Delseny M., Quiros C.F., Sadowski J. (2003). Chromosomal mapping of *Brassica oleracea* based on ESTs from *Arabidopsis thaliana*: complexity of the comparative map. *Mol. Genet. Genomics* 268: 656-665. (IF₂₀₀₃=2,24; liczba punktów MNiSW=25)
 2. Sadowski J., Kaczmarek M., Ziółkowski P.A., **Babula D.**, Jakubowicz M., Ludwików A., Stańko A. (2003). Różnorodność genetyczna z perspektywy poznanych sekwencji genomów roślinnych. *Zeszyty Problemowe Postępów Nauk Rolniczych* 6: 59-71. (liczba punktów MNiSW=9)
 3. Sadowski J., **Babula D.**, Kaczmarek M., Ziolkowski P., Stanko A. (2003). The model plant *Arabidopsis thaliana*: Implications from analysis of gene redundancy to genome functional plasticity. *Pol. J. Nat. Sc., Supplement* 01.
 4. Ziolkowski PA, **Babula D**, Kaczmarek M, Sadowski J (2005). Comparative mapping of large chromosomal rearrangements in the *Brassica oleracea* genome: uncovering the natural history of the species. *Biol. Lett.* 42: 177.
 5. **Babula D.**, M. Kaczmarek, W. Nowak, L. Misztal, J. Sadowski (2005). Identification and genetic mapping of MAPKK and CDPK kinases involved in ozone and drought stresses in the *Brassica oleracea* genome. *Biol. Lett.* 42: 171
 6. Ziolkowski P.A., Kaczmarek M., **Babula D.**, Sadowski J. (2006) Genome evolution in *Arabidopsis/Brassica*: conservation and divergence of ancient rearranged segments and their breakpoints. *Plant J.* 47: 63-74. (IF₂₀₀₆=6,565; MNiSW=45)
 7. Kaczmarek M., Koczyk G., Ziolkowski P.A., **Babula-Skowrońska D.**, Sadowski J. (2009). Comparative analysis of the *Brassica oleracea* genetic map and the *Arabidopsis thaliana* genome. *Genome* 52: 620-633. (IF₂₀₀₉: 1,709; liczba punktów MNiSW=20)
 8. Baranowski P., Mazurek W., Jędrzycka M., **Babula-Skowrońska D.** (2009). Zmiany temperatury liści rzepaku (*Brassica napus*) pod wpływem porażenia przez grzyby rodzaju *Alternaria*. *Rośliny Oleiste* 30: 21-33. (liczba punktów MNiSW=4)
 9. Ziółkowski P.A., **Babula-Skowrońska D.**, Kaczmarek M., Cieśla A., Sadowski J. (2010). Sekwencjonowanie porównawcze genomów: generowanie markerów genetycznych typu INDEL i SNP. *Biotechnologia* 4: 53-68. (liczba punktów MNiSW=6)

10. Baranowski P., Jedryczka M., Mazurek W., **Babula-Skowronska D.**, Siedliska A., Kaczmarek J. (2015). Hyperspectral and thermal imaging of oilseed rape (*Brassica napus*) response to fungal species of the genus *Alternaria*. PlosOne 10: e0122913. (IF₂₀₁₅=3,057; liczba punktów MNiSW=40)
 11. Mituła F., Tajdel M., Cieśla A., Kasprówicz-Maluśki A., **Babula-Skowrońska D.**, Michalak M., Sadowski J., Ludwików A. (2015). *Arabidopsis* ABA-activated kinase MAPKKK18 is regulated by protein phosphatase 2C ABI1 and the ubiquitin proteasome pathway. Plant Cell Physiol. 56: 2351-2367. (IF₂₀₁₅=4,319; liczba punktów MNiSW=40)
 12. Cegielska-Taras T., Szała L., Matuszczak M., **Babula-Skowrońska D.**, Mikołajczyk K., Popławska W., Sosnowska K., Hernacki B., Olejnik A., Bartkowiak-Broda I. (2015). Doubled haploids as a material for biotechnological manipulation and as a modern tool for breeding oilseed rape (*Brassica napus* L.). BioTechnologia 96: 7-18. (liczba punktów MNiSW: 13)
 13. Jakubowicz M., Nowak W., Gałgański Ł., **Babula-Skowrońska D.** (2018). Expression profiling of genes encoding ABA route components in response to dehydration or various light conditions in poplar buds and leaves. J. Plant Physiol. 223: 84-95. (IF₂₀₁₈=2,825; liczba punktów MNiSW=35)
 14. Jakubowicz M., Nowak W., Gałgański Ł., **Babula-Skowrońska D.** (2019). Expression profiling of *CTR1*-like and *EIN2*-like genes in buds and leaves of *Populus tremula*, and in vitro study of the interaction between their polypeptides. Plant Physiol. Biochem. 139: 660-671. (IF₂₀₁₉=3,720; liczba punktów MNiSW=70)
 15. Jakubowicz M., Nowak W., Gałgański Ł., **Babula-Skowrońska D.**, Kubiak P. (2020). Expression profiling of the genes encoding ABA route components and the ACC oxidase isozymes in the senescing leaves of *Populus tremula*. J. Plant Physiol. 248: 153143. (IF₂₀₁₉=3,013; liczba punktów MNiSW=70)
5. Wykaz osiągnięć projektowych, konstrukcyjnych, technologicznych (z zaznaczeniem pozycji niewymienionych w pkt I.3).
 6. Wykaz publicznych realizacji dzieł artystycznych (z zaznaczeniem pozycji niewymienionych w pkt I.3).
 7. Informacja o wystąpieniach na krajowych lub międzynarodowych konferencjach naukowych lub artystycznych, z wyszczególnieniem przedstawionych wykładów na zaproszenie i wykładów plenarnych.

Po uzyskaniu stopnia doktora

1. **Babula D.**, Jakubowicz M., Kaczmarek M., Nowak W., Misztal L., Sadowski J. (2004). Identyfikacja i chromosomowa organizacja homeologów wybranych genów

szlaku biosyntezy i transdukcji sygnału etylenowego w genomie *Brassica oleracea*. Polski Kongres Genetyki, 7-9 września 2004 r., Gdańsk, str. 90.

2. **Babula D.**, Nowak W., Ludwików A., Misztal L., Sadowski J. (2004). Wykorzystanie makromacierzy DNA w wielogenowej analizie ekspresji. IV-te Warsztaty Krajowej Sieci Naukowej Transgeneza i genomika roślin uprawnych. 4 listopada 2004 r., Poznań, str. 13-15.
3. **Babula-Skowrońska D.**, Kaczmarek M., Cieśla A., Chojnowska M, Sadowski J. (2007) Utworzenie skonsolidowanej mapy chromosomowej dla *Brassica oleracea*: określenie nowych elementów strukturalnych genomu C. II Polski Kongres Genetyki, 18-20 września 2007, Warszawa, str. 90.
4. **Babula-Skowrońska D.** (2008). Mapowanie genomów roślin uprawnych: aspekty poznawcze i aplikacyjne. II Sympozjum Naukowe: Jakość środowiska, surowców i żywności. 1-3 kwietnia 2008, Turwia
5. **Babula-Skowrońska D.**, Ludwików A., Rasztemborski P., Sadowski J. (2013). Rola dywergencji strukturalnej i funkcjonalnej homeologów genu *ABII* u rzepaku ozimego (*Brassica napus* var. *oleifera* L.) w regulacji ich ekspresji. IV Polski Kongres Genetyki, 10-13 września 2013r., Poznań, str. 175.
6. **Babula-Skowrońska D.**, Ludwików A., Olejnik A., Cegielska-Taras T., Bartkowiak-Broda I., Sadowski J. (2014). Poliploidyzacja, diploidyzacja i dywergencja funkcjonalna homeologów genowych - nowe wyzwania dla programów genetyczno-hodowlanych rzepaku (*Brassica napus* L.). XXXII Konferencja Naukowa Rośliny Oleiste, 19-20 maja 2014, Poznań. str. 20-22.

Inne formy wystąpień konferencyjnych (w formie plakatu)

1. Kaczmarek M., **Babula D.**, Sadowski J. (2003). Application of the *Arabidopsis thaliana* sequence data in understanding the *Brassica* genome. Workshop on: Understanding the plant genome. 2-3 June 2003, Poznań, str. 18
2. **Babula D.**, Jakubowicz M., Ludwików A., Stańko A., Kaczmarek M., Sadowski J. (2003). Identyfikacja homeologów wybranych genów na chromosomach gatunków uprawnych na podstawie informacji o genomie rośliny modelowej. II Krajowy Kongres Biotechnologii, 23-27 czerwca 2003 r., Łódź, str. 230.
3. Sadowski J., **Babula D.**, Kaczmarek M., Ziółkowski P., Stańko A. (2003). The model plant *Arabidopsis thaliana*: implications from analysis of gene redundancy to genome functional plasticity. 1st Conference of the Polish Society for Plant Experimental Biology, 3-6 September 2003, Olsztyn, Polish Journal of natural Sciences str. 227.
4. Stańko A., Ludwików A., **Babula D.**, Sadowski J. (2003). Superoxide dismutases - the first line of defense against ROS. 1st Conference of the Polish Society for Plant Experimental Biology, 3-6 September 2003, Olsztyn, Pol. J. Nat. Sc., str. 228-229.
5. Babula D., Gawłowska M., Kaczmarek M., Kasprzak A. (2004). Genetic markers and their application in plant breeding. School of Biotechnology "Molecular and cytogenetic diagnostics in plant breeding", 27-30 April 2004, Poznań, str. 17-40.
6. **Babula D.**, Kaczmarek M., Jakubowicz M., Ludwików A., Stańko A., Sadowski J. (2004). Genes involved in biosynthesis and signalization of ethylene in *Brassica oleracea* and *Arabidopsis thaliana*: identification of gene homologues and

- chromosomal mapping. Proc. of the 5th Annual GARNet Meeting, 1-2 September 2004, Leicester, str. 84.
7. **Babula D.**, Kaczmarek M., Nowak W., Misztal L., Sadowski J. (2005). Identification and genetic mapping of MAPKK and CDPK kinases involved in ozone and drought stresses in the *Brassica oleracea* genome. 2nd Conference Polish Society of Experimental Plant Biology, 26-29 September 2005, Biol. Lett. 42: 171.
 8. **Babula D.**, Kaczmarek M., Nowak W., Misztal L., Sadowski J. (2005). Identification and genetic mapping of MAPKK and CDPK kinases involved in ozone and drought stresses in the *Brassica oleracea* genome. International Workshop „Optimized usage of experimental information for plant research and breeding decisions”; 11-12 października 2005, Poznań.
 9. Ziółkowski P.A., **Babula D.**, M. Kaczmarek, J. Sadowski (2005). Comparative mapping of large chromosomal rearrangements in the *Brassica oleracea* genome: uncovering the natural history of the species. International Workshop „Optimized usage of experimental information for plant research and breeding decisions”; 11-12 października 2005, Poznań.
 10. **Babula D.**, Grant N., Kaczmarek M., Teakle G., Barker G., King G., Sadowski J. (2006). Construction of a consensus genetic map for the *Brassica oleracea* genome. 15th Crucifer Genetics workshop: Brassica 2006. Wageningen, the Netherlands, 30 września-4 października 2006, str. 83.
 11. Kaczmarek M., **Babula D.**, Koczyk G., Ziolkowski P.A., Sadowski J. (2006). Comparative genome analysis of *Brassica oleracea* and *Arabidopsis thaliana*: updated identification and characterisation of homologous regions. 15th Crucifer Genetics workshop: Brassica 2006. Wageningen, the Netherlands, 30 września-4 października 2006, str. 86.
 12. **Babula-Skowrońska D.**, Kaczmarek M., Jędrzycka M., Sadowski J. (2008). Charakterystyka genetyczna i funkcjonalna homeologów wybranych genów w rodzaju *Brassica*. II Sympozjum naukowe "Jakość środowiska, surowców i żywności", 01-03 kwietnia 2008 r., Poznań, str. 193.
 13. Kaczmarek M., **Babula-Skowrońska D.**, Sadowski J. (2008). Analiza porównawcza ekspresji genów indukowanych u *A. thaliana* w warunkach stresu suszy z ich homologami z genomu *B. oleracea*. II Sympozjum naukowe "Jakość środowiska, surowców i żywności", 01-03 kwietnia 2008r., Poznań, str. 195.
 14. **Babula-Skowrońska D.**, Kaczmarek M., Sadowski J. (2008). Identyfikacja i porównanie sekwencji regulatorowych w promotorach genów uczestniczących w odpowiedzi roślin na stres ozonowy. II Sympozjum naukowe "Jakość środowiska, surowców i żywności", 01-03 kwietnia 2008 r., Poznań, str. 205.
 15. Kaczmarek M., **Babula-Skowrońska D.**, Sadowski J. (2008). Identyfikacja i porównanie sekwencji regulatorowych w promotorach genów uczestniczących w odpowiedzi roślin na stres suszy. II Sympozjum naukowe "Jakość środowiska, surowców i żywności", 01-03 kwietnia 2008 r., Poznań, str. 207.
 16. Ciesła A., **Babula-Skowronska D.**, Ludwikow A., Sadowski J., (2009). Involvement of protein phosphatases PP2C in response of winter rapeseed (*Brassica napus* L.) to drought stress. Acta Biologica Cracoviensia. Series Botanica. Supplement 51: 51-52.

17. Kaczmarek M., Koczyk G., **Babula-Skowronska D.**, Sadowski J. (2009). Comparative genome macrosynteny of *B. oleracea* and *A. thaliana*: another relative at the common table. Plant Genomics and Beyond, Paryż, 5-8 July 2009.
18. **Babula-Skowrońska D.**, Sadowski J. (2010). Charakterystyka genetyczna i funkcjonalna wybranych genów tworzących zintegrowany układ sygnalizacji sresowej u gatunków z rodzaju *Brassica*. IV Sympozjum naukowe "Jakość środowiska, surowców i żywności", 22-23 kwietnia 2010 r., Kraków, str. 174-175.
19. **Babula-Skowrońska D.**, Ludwików A., Cieśla A., Jędrzycka M., Sadowski J. (2012). Structural and functional divergence of the *ABI1* homeologous genes in *Brassica napus*. 6th International Symposium on Brassica and 18th Crucifer Genetics workshop, 12-16 listopada 2012 r., Catania, str. 48.
20. **Babula-Skowrońska D.**, Ludwików A., Sadowski J. (2014). Involvement of genes encoding ABI1 protein phosphatases in the response of *Brassica napus* L. to drought stress. III Ogólnopolska Konferencja "Genetyka i genomika w doskonaleniu roślin uprawnych - od rośliny modelowej do nowej odmiany", 5-7 listopada 2014 r., Poznań, str. 52.
21. Fidler J., Różańska J., **Babula-Skowrońska D.** (2018). Expression profiling of hb6-like genes during development and in the response to abiotic stresses in oilseed rape (*Brassica napus* L.). The Integrative Plant Biology Conference, 7-9 listopada 2018, Poznań, str. 67.
22. **Babula-Skowrońska D.**, Żyła N., Fidler J. (2019). Wykorzystanie technologii CRISPR/Cas9 w kontrolowanej mutagenie zduplikowanych genów BnaHB6 u rzepaku (*Brassica napus* L.). IV Ogólnopolska Konferencja „Genetyka i Genomika w doskonaleniu roślin uprawnych: od rośliny modelowej do nowej odmiany, 5-7 listopada 2019, Poznań
23. Fidler J., Cieśla A., Żyła N., Rzepczak A., **Babula-Skowrońska D.** (2019). Wpływ duplikacji na ekspresję wybranych genów kodujących czynniki transkrypcyjne z rodziny HB w warunkach stresowych i ich oddziaływania z fosfatazą białkową ABI1 u rzepaku (*Brassica napus* L.). IV Ogólnopolska Konferencja „Genetyka i Genomika w doskonaleniu roślin uprawnych: od rośliny modelowej do nowej odmiany, 5-7 listopada 2019, Poznań

Inne formy wystąpień

1. Wykład dla studentów IV roku Biotechnologii, Wydział Biologii, Uniwersytet im. A. Mickiewicza w Poznaniu, 2002 r.
2. Wystąpienie ustne pt. „Wykorzystanie makromacierzy DNA w wielogenowej analizie ekspresji” na IV Warsztatach Krajowej Sieci Naukowej Transgeneza i genomika roślin. Poznań, dnia 4. listopada 2004 r.
3. Trzy prezentacje ustne dotyczące realizacji zadań w ramach Grantu Zamawianego „Mapowanie chromosomowe genów związanych z odpornością na stesy biotyczne i abiotyczne u gatunków uprawnych z rodzaju *Brassica*” (2002-2004).
4. Babula D. (2005). „Comparative analysis of the *Brassica oleracea* and *Arabidopsis thaliana* genomes”, maj 2005, seminarium naukowe - John Innes

Centre, Norwich, Wielka Brytania

5. Babula-Skowrońska D. (2014). Rola fosfataz białkowych w sygnalizacji stresowej – seminarium naukowe – IGR PAN Poznań
 6. Babula-Skowrońska D. (2019). Evolution and functional diversification of duplicated genes as important processes for plasticity of the stress response in polyploids - seminarium naukowe – IGR PAN Poznań
 7. Babula-Skowrońska D. (2020). Rzepak - poliploidalna roślina modelowa w badaniach zależności między strukturą genomu a funkcją genów i ich wpływem na programy hodowlane. 20 stycznia 2020, seminarium naukowe - IHAR Poznań.
8. Informacja o udziale w komitetach organizacyjnych i naukowych konferencji krajowych lub międzynarodowych, z podaniem pełnionej funkcji.

Po uzyskaniu stopnia doktora

1. Międzynarodowe Warsztaty zorganizowane w ramach Centrum Doskonałości PAGEN „Understanding the Plant Genome”, 2-3 czerwca 2003 r., Będlewo, członek Komitetu Organizacyjnego
 2. Szkoła Biotechnologii „Molecular and cytogenetic diagnostics in plant breeding”, 27-30 kwietnia 2004 r., Poznań, członek Komitetu Organizacyjnego
 3. II Międzynarodowa Konferencja Polskiego Towarzystwa Biologii Eksperymentalnej Roślin, 26-29 września 2005 r., Poznań, członek Komitetu Organizacyjnego
 4. II Ogólnopolska Konferencja „Genetyka i genomika w doskonaleniu roślin uprawnych – od rośliny modelowej do nowej odmiany”. 24-26 listopada 2008 r., Poznań, członek Komitetu Organizacyjnego
9. Informacja o uczestnictwie w pracach zespołów badawczych realizujących projekty finansowane w drodze konkursów krajowych lub zagranicznych, z podziałem na projekty zrealizowane i będące w toku realizacji, oraz z uwzględnieniem informacji o pełnionej funkcji w ramach prac zespołów.

Przed uzyskaniem stopnia doktora

1. Mapowanie genomu *Brassica oleracea* w oparciu o markery DNA dla chromosomu czwartego *Arabidopsis thaliana*, 1996-1999, projekt własny KBN (nr 5 PO6A 016 11), **Główny wykonawca**
2. Mapowanie chromosomów *Brassica oleracea* w oparciu o sondy genowe *Arabidopsis thaliana*, 2000-2001, projekt promotorski KBN (nr 5 P06A 003 19), **Główny wykonawca**

Po uzyskaniu stopnia doktora

[1]. Zrealizowane

1. Mapowanie chromosomowe genów związanych z odpornością na stresy biotyczne i abiotyczne u gatunków uprawnych z rodzaju *Brassica*, 2001-2004, projekt KBN (nr 029/P06/0.10) w ramach projektu zamawianego (PBZ/KBN/029/P06/2000), **Główny wykonawca**
2. Molekularna i genetyczna analiza odpowiedzi roślin gatunków z rodziny *Brassicaceae* na stres suszy, 2003-2005, projekt własny KBN (nr P06A 036 24), **Wykonawca**
3. Opracowanie skonsolidowanej mapy genetycznej dla genomu C roślin kapustnych (*Brassica oleracea* L.), projekt własny MNiI (nr P06A 035 28), 2005-2007, **Kierownik**
4. Nowe metody genetyki molekularnej i genomiki służące doskonaleniu odmian roślin uprawnych, temat zadania badawczego w ramach projektu: „Ocena i modyfikacja właściwości adaptacyjnych rzepaku ozimego (*Brassica napus* var. *oleifera* L.) do stresu suszy z wykorzystaniem podejść genomiki funkcjonalnej, 2007-2011, projekt zamawiany MNiSW (nr PBZ-MNiSW-2/3/2006), **Wykonawca**
5. Funkcjonowanie zduplikowanych genów u paleopoliploidów: udział homologów genu ABI1 w sygnalizacji ABA u rzepaku ozimego (*Brassica napus* var. *oleifera* L.), 2010-2013, projekt własny MNiSW (nr N N303 568339), **Kierownik**

[2]. W toku realizacji

1. Plastyczność odpowiedzi poliploidów na stresy środowiskowe: zbadanie regulonu ABI1/HB6 w warunkach stresów solnego i suszy u rzepaku (*Brassica napus* L.), 2017-2021, projekt własny NCN Opus12 (nr 2016/23/B/N29/02175), **Kierownik**

10. Członkostwo w międzynarodowych lub krajowych organizacjach i towarzystwach naukowych wraz z informacją o pełnionych funkcjach.

1. ISHS, International Society for Horticultural Science, członek (od 2000)

11. Informacja o odbytych stażach w instytucjach naukowych lub artystycznych, w tym zagranicznych, z podaniem miejsca, terminu, czasu trwania stażu i jego charakteru.

Po uzyskaniu stopnia doktora

1. Platforma Genomiki w CIRAD (Centre Internationale), Montpellier (Francja), staż naukowy, 15 maja - 10 czerwca 2004 r., staż naukowy
2. John Innes Centre, Norwich, Wielka Brytania 20 lutego - 30 maja 2005 r., staż naukowy
3. Warwick-HRI, Wellesbourne, Wielka Brytania, 2 - 28 lutego 2006 r., staż naukowy

12. Członkostwo w komitetach redakcyjnych i radach naukowych czasopism wraz z informacją o pełnionych funkcjach (np. redaktora naczelnego, przewodniczącego rady naukowej, itp.).

1. *Frontiers in Plant Science*, sekcja *Biotechnologia Roślin*, Review Editor od 2015 r.

13. Informacja o recenzowanych pracach naukowych lub artystycznych, w szczególności publikowanych w czasopismach międzynarodowych.

Po uzyskaniu stopnia doktora

1. *Theoretical and Applied Genetics* (2007-2021) - 6
2. *Journal of Applied Genetics* (2007, 2019) - 3
3. *Acta Physiologiae Plantarum* (2005-2020) - 24
4. *Plant Cell Reports* (2009-2021) - 7
5. *Crop Breeding and Applied Biotechnology* (2014) - 1
6. *Rośliny Oleiste - Oilseed Crops* (2013) - 1
7. *Acta Societatis Botanicorum Poloniae* (2016) - 1
8. *Frontiers in Plant Science* (2015-2021) – 14
9. *Scientific Reports* (2016) – 1
10. *Plant Signaling & Behavior* (2019) – 1
11. *PloS One* (2021) - 1

14. Informacja o uczestnictwie w programach europejskich lub innych programach międzynarodowych.

15. Informacja o udziale w zespołach badawczych, realizujących projekty inne niż określone w pkt. II.9.

16. Informacja o uczestnictwie w zespołach oceniających wnioski o finansowanie badań, wnioski o przyznanie nagród naukowych, wnioski w innych konkursach mających charakter naukowy lub dydaktyczny.

1. IX Konkursu Dziekana Biologii Uniwersytetu im. A. Mickiewicza w Poznaniu na "Granty dla doktorantów", 2008 r. - 1
2. Narodowe Centrum Nauki, 2012 r., projekt badawczy, 2
3. Konkurs Dziekana Biologii Uniwersytetu im. A. Mickiewicza w Poznaniu na "Granty dla doktorantów", 2018 r., 2
4. Konkurs Dziekana Biologii Uniwersytetu im. A. Mickiewicza w Poznaniu na

"Granty dla doktorantów", 2019 r., 2

III. INFORMACJA O WSPÓŁPRACY Z OTOCZENIEM SPOŁECZNYM I GOSPODARCZYM

1. Wykaz dorobku technologicznego.
2. Informacja o współpracy z sektorem gospodarczym.
3. Uzyskane prawa własności przemysłowej, w tym uzyskane patenty, krajowe lub międzynarodowe.
4. Informacja o wdrożonych technologiach.
5. Informacja o wykonanych ekspertyzach lub innych opracowaniach wykonanych na zamówienie instytucji publicznych lub przedsiębiorców.
6. Informacja o udziale w zespołach eksperckich lub konkursowych.
7. Informacja o projektach artystycznych realizowanych ze środowiskami pozaartystycznymi.

IV. INFORMACJE NAUKOMETRYCZNE

1. Informacja o punktacji Impact Factor (w dziedzinach i dyscyplinach, w których parametr ten jest powszechnie używany jako wskaźnik naukometryczny).

42,335

2. Informacja o liczbie cytowań publikacji wnioskodawcy, z oddzielnym uwzględnieniem autocytowań.

286 (262 bez autocytowań) wg bazy Web of Science

3. Informacja o posiadanym indeksie Hirscha.

H = 7

3. Informacja o liczbie punktów MNiSW.

L.p.	Czasopismo/wydawnictwo	Rok	Impact Factor Zgodny z rokiem publikacji	Liczba punktów zgodna z rokiem publikacji	Liczba punktów wg nowej listy punktacji*
1.	Molecular Genetics and Genomics	2003	2,24	25	100
2.	Zeszyty Problemowe Postępów Nauk Rolniczych	2003	-	9	20
3.	Polish Journal of Natural Sciences	2003	-	10	20
4.	Biological Letters	2005	-	-	20
5.	Biological Letters	2005	-	-	20
6.	Theoretical Applied Genetics	2006	2,715	40	100
7.	Plant Journal	2006	6,565	45	140
8.	Springer, Heidelberg, Berlin, New York, Tokyo	2007	-	6	20

9.	Genome	2009	1,709	20	70
10.	Rośliny Oleiste	2009	-	4	-
11.	Biotechnologia	2010	-	6	20
12.	Science Publishers, Inc., Jersey, British Isles, New Hampshire, CRC Press	2011	-	5	20
13.	Science Publishers, Enfield, New Hampshire, CRC Press	2011	-	5	20
14.	Annals Applied Biology	2013	1,995	40	100
15.	Plant Molecular Biology	2015	3,905	40	100
16.	PloS One	2015	3,057	40	100
17.	Plant and Cell Physiology	2015	4,319	40	140
18.	BioTechnologia	2015	-	13	20
19.	Journal of Plant Physiology	2018	2,825	35	100
20.	Plant Physiology and Biochemistry	2019	3,720	70	70
21.	Journal of Plant Physiology	2020	3,549	70	100
22.	The <i>Brassica oleracea</i> Genome. Compendium of Plant Genomes. Springer,	2021	-	20	20
23.	The <i>Brassica oleracea</i> Genome. Compendium of Plant Genomes. Springer	2021	-	20	20
24.	Genomics	2021	5,736	100	100
Suma		22	42,335	663	1500

* Punktację MNiSW według obecnie stosowanej skali podano w celu poglądowego porównania wartości czasopism na podstawie ujednoliconego wskaźnika bibliometrycznego

Informacje zawarte w pkt. IV powinny wskazywać również na bazę danych, na podstawie której zostały podane.

Przy wyborze tej bazy należy zwracać uwagę na specyfikę dziedziny i dyscypliny naukowej, w której kandydat ubiega się o nadanie stopnia doktora habilitowanego.

Rada Doskonałości Naukowej informuje, że podawanie danych naukometrycznych – w opinii Rady Doskonałości Naukowej – jest wskazane i zalecane, wynika to także ze stosowanej powszechnie praktyki przez samych kandydatów ubiegających się o awans naukowy. Należy jednak podkreślić, że podane we wnioskach o wszczęcie postępowania awansowego dane naukometryczne nie mogą stanowić kryterium oceny dorobku naukowego Kandydata dla podmiotów doktoryzujących, habilitujących oraz samej Rady Doskonałości Naukowej, organów prowadzących postępowania w sprawie nadania stopnia lub tytułu. Zadaniem tych organów jest przede wszystkim ocena ekspercka dorobku naukowego Kandydata ubiegającego się o awans naukowy, zaś decyzja o nadaniu stopnia lub tytułu nie powinna być uzależniona od podania tych danych.


(podpis wnioskodawcy)